



**UNIVERSITÀ
DI TRENTO**



Dipartimento di
Biologia Cellulare, Computazionale e Integrata

Trento, 2 ottobre 2025

All'attenzione della

Dr.ssa Marta Mellai
Unità di Genomica & Trascrittomica
Centro Ricerche Ipazia - Università del Piemonte Orientale
Corso Trieste 15A
28100 Novara

Oggetto: preventivo per sequenziamento NGS
"20251002_MELLAI"

La Next Generation Sequencing Core Facility è un laboratorio del Dipartimento CIBIO dell'Università degli Studi di Trento con personale, strumentazioni e spazi dedicati alla preparazione ed al sequenziamento di campioni di acidi nucleici mediante le tecnologie di sequenziamento di nuova generazione per studi di genomica, trascrittomica, metagenomica ed epigenomica.

La NGS Facility supporta i ricercatori nella pianificazione sperimentale e nella predisposizione del budget per la partecipazione a bandi per richieste di finanziamento. Oltre al mantenimento di queste attività di base, obiettivo delle facility è l'implementazione di nuovi metodi e tecniche da applicare in campo sperimentale di ricerca di base e diagnostico. La Next Generation Sequencing Core Facility non è uno Spin-OFF, né una Start-UP dell'Università degli Studi di Trento bensì è un Laboratorio tecnologico gestito da Staff Scientist del CIBIO dell'Università di Trento.



UNIVERSITÀ
DI TRENTO



Dipartimento di
Biologia Cellulare, Computazionale e Integrata

Accettazione offerta - ordine di acquisto

Si informa che l'Ateneo **non è dotato del canale NSO**. Nel caso di accettazione dell'offerta la vostra Amministrazione dovrà trasmettere l'Ordine di Acquisto, completo di tutti i dati utili per la fatturazione con chiara specifica della descrizione da inserire nella causale della fattura (nel caso di progetto PNRR, o altro progetto finanziato, dovranno essere riportati tutti i codici utili per la rendicontazione) dal vostro indirizzo di posta elettronica certificata a:

- PEC di Ateneo ateneo@pec.unitn.it all'attenzione di NGS Facility, Dipartimento CIBIO e
- in CC all'indirizzo ngs.cibio@unitn.it;

Non saranno avviati servizi o attività di ricerca in assenza dell'Ordine di Acquisto.

Fatturazione del corrispettivo e condizioni di pagamento

- IVA: fatturazione della ricerca/servizio in regime I.V.A. "split payment", ai sensi dell'art. 17-ter del DPR n. 633/1972
- PAGAMENTO: 30 GG data fattura
- I pagamenti a favore dell'Università di Trento dovranno essere effettuati:
 - a) con giro-fondi in Tesoreria dello Stato, se l'ente richiedente il servizio è in regime di tesoreria unica

oppure

- b) mediante il sistema PagoPA, a seguito del ricevimento di apposito avviso IUV (art. 5 del Codice dell'Amministrazione Digitale-D.L. 179/2012 - articolo 65, comma 2, decreto legislativo 13 dicembre 2017, n. 217).

Affidamento servizio a mezzo piattaforme di acquisto

I servizi effettuati dalla NGS Facility dell'Università degli Studi di Trento sono presenti sul MEPA. In caso di necessità di utilizzo della piattaforma elettronica dovranno essere presi contatti con i nostri uffici amministrativi il prima possibile (ngs.cibio@unitn.it e contabilita.collina@unitn.it). L'Università di Trento non è un'azienda privata e potrà compilare solo moduli formulati per le pubbliche amministrazioni.



OFFERTA

In risposta alla recente richiesta di un preventivo dei costi previsti per il progetto in collaborazione di cui si è discusso via e-mail, presentiamo la seguente proposta per il sequenziamento di un pool di librerie.

DESCRIZIONE DEL SERVIZIO/PROGETTO	PREZZO IN EURO
QC del pool (determinazione concentrazione mediante Qubit, microelettroforesi capillare mediante LabChip GX e qPCR) e servizio di sequenziamento standard con NovaSeq6000 (reagenti esclusi e acquistati dall'Utente direttamente da Illumina) per una Flowcell S1 con chimica PE100.	936,51 €

NOTE:

È possibile acquistare e inserire nel progetto/ordine finale anche multipli dei servizi riportati della tabella precedente; in questi casi esplicitare nell'ordine le descrizioni dei servizi selezionati in modo da agevolare la futura fatturazione.

E' necessario segnalare tramite e-mail a NGS Facility il caso in cui, tra le possibili classi di acidi nucleici sottoelencate, il materiale genetico che sarà inviato alla Facility appartenga alla classe 1. Infatti, per la prima classe di materiale biologico sarà necessario attivare le procedure del trattamento di categoria particolari di dati, ai sensi dell'art. 9 del Regolamento generale sulla protezione dei dati (GDPR).

Invece, nel caso in cui il materiale genetico sottoposto al sequenziamento appartenga alle classi 2, 3, 4 o 5 non sarà necessario applicare il GDPR.

Classi di acidi nucleici oggetto dell'analisi NGS:

- 1) Singole provette contenenti singoli campioni **anche se** pseudonimizzati, con acidi nucleici umani **interi** (cioè DNA genomico totale o RNA estratto da cellule) o singole **librerie per sequenziamento** da quelli originate;
- 2) Acidi nucleici umani ottenuti da materiale biologico commerciale (linee cellulari, tessuti, acidi nucleici);
- 3) Singole provette, individuate mediante numerazione, contenenti ampliconi con una lunghezza totale non superiore a 5.112 paia di basi, ottenuti da singoli campioni di acidi nucleici umani mediante PCR. Prima della spedizione alla Facility gli ampliconi sono sottoposti a purificazione dai frammenti ad alto peso molecolare di origine in modo che non sia possibile, né direttamente né indirettamente, individuare un soggetto determinato.



**UNIVERSITÀ
DI TRENTO**



**Dipartimento di
Biologia Cellulare, Computazionale e Integrata**

- 4) Pool costituito da un miscuglio di librerie ottenute da campioni di acidi nucleici umani. La provetta con il pool sarà inviata a NGS Facility in forma anonima, cioè senza alcuna informazione aggiuntiva che possa caratterizzare il numero dei campioni e, tantomeno, i singoli campioni costituenti la miscela. L'Utente indicherà a NGS Facility esclusivamente il tipo di chimica di sequenziamento da applicare. NGS Facility effettuerà il sequenziamento e consegnerà i dati globali di sequenziamento della miscela di campioni nell'account Basespace dell'Utente. Solo a quel punto l'Utente potrà procedere all'operazione di demultiplexing, cioè all'assegnazione dei dati di sequenza a ogni singolo campione analizzato presente nel miscuglio originale.
- 5) Acidi nucleici non umani.



**UNIVERSITÀ
DI TRENTO**



Dipartimento di
Biologia Cellulare, Computazionale e Integrata

FLUSSO DI LAVORO E GESTIONE DEI DATI:

Nel caso lo svolgimento di un controllo di qualità (QC) dia esito negativo, l'Utente sarà contattato dagli operatori della NGS Facility per verificare la volontà dell'Utente di procedere comunque con le fasi successive del progetto. Nel caso l'Utente decida di non proseguire nelle fasi successive gli sarà addebitato l'importo corrispondente alle sole fasi svolte da NGS Facility.

Nel caso in cui l'Utente svolga anche le fasi di QC del pool da caricare sul sequenziatore la NGS facility si occuperà solo del caricamento sul NOVASEQ6000. In queste situazioni se il sequenziamento non dovesse andare a buon fine, l'importo relativo al servizio sarà comunque addebitato a meno di problemi dovuti al malfunzionamento del NOVASEQ6000.

La consegna dei dati avverrà attraverso la piattaforma BASESPACE della azienda Illumina. Sarà necessario per l'utente attivare un account basic Basespace.

Gli Utenti sono responsabili della conservazione dei dati una volta consegnati dalla NGS facility sulla piattaforma BASESPACE. Dopo 1 mese dalla consegna dei dati la run di sequenziamento presente nel nostro Storage sarà eliminata, senza necessità di ulteriore comunicazione.

La presente offerta è valida fino al 30/11/2025 a meno di ulteriori comunicazioni.

Non è compreso nel servizio quanto non espressamente menzionato nella presente proposta.

Distinti saluti,

Veronica De Sanctis – Roberto Bertorelli

NGS Facility

Dipartimento CIBIO
University of Trento
Via Sommarive, 18
38123 Povo (TN) – Italy
UFF: +39-0461-314440